

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome	MAGRIS GABRIELE
Indirizzo	29, RUE TONY NEUMAN L-2241, LUSSEMBURGO
Telefono	3347349545
SCOPUS links	https://www.scopus.com/authid/detail.uri?authorId=53871518600
Other link	https://orcid.org/0000-0003-0801-0089
E-mail	gabriele.magris@uniud.it
Nazionalità	Italiana, Lussemburghese
Data di nascita	13/02/1989

ESPERIENZA LAVORATIVA

- | | |
|-----------------------------------|---|
| • Date (da – a) | APRILE 2021 – |
| • Università degli studi di Udine | Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze AgroAlimentari, Ambientali e Animali (DI4A) |
| • Qualifica | Ricercatore (RTD/A) – Genetica Agraria (AGR07) |
| • Date (da – a) | Gennaio 2016 – Marzo 2021 |
| • ente pubblico | Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze AgroAlimentari, Ambientali e Animali (DI4A) |
| • Qualifica | Assegnista di ricerca |
| • Date (da – a) | Agosto 2009 – Agosto 2009 |
| • ente pubblico | CRP Santé Centre de Recherche public |
| • Qualifica | Stage |

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- | | |
|--------------------------|---|
| • Date (da – a) | GENNAIO 2013 – DICEMBRE 2015 |
| • istituto di istruzione | Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze AgroAlimentari, Ambientali e Animali (DI4A) |
| • Titolo conseguito | Dottorato di ricerca in Scienze e Biotecnologie Agrarie (7 Aprile 2016) |
| • Date (da – a) | SETTEMBRE 2010 – SETTEMBRE 2012 |
| • istituto di istruzione | Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze AgroAlimentari, Ambientali e Animali (DI4A) |
| • Titolo conseguito | Laurea Magistrale in Biotecnologie delle Piante e degli Animali (LM-7 – Classe delle lauree magistrali in Biotecnologie agrarie – D. M. 270/2004) (9 ottobre 2012) |

<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • istituto di istruzione • Titolo conseguito 	<p>Marzo 2012 – Luglio 2012 Università di Bayreuth (Germania) Scambio nel quadro del programma Erasmus per la stesura della tesi riguardante la risposta all'ipossia di <i>Arabidopsis thaliana</i></p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • istituto di istruzione • Titolo conseguito 	<p>Settembre 2007 – 2010 Università degli Studi di Udine – Dipartimento di Scienze AgroAlimentari, Ambientali e Animali (DI4A) Laurea triennale in Biotecnologie (15 Novembre 2010)</p>
<p>MADRELINGUA</p>	<p>ITALIANO</p>
<p>ALTRE LINGUA</p>	
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	<p>INGLESE ECCELLENTE ECCELLENTE ECCELLENTE</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	<p>TEDESCO ECCELLENTE BUONO ECCELLENTE</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	<p>FRANCESE ECCELLENTE BUONO ECCELLENTE</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	<p>LUSSEMBURGHESE ELEMENTARE ELEMENTARE ELEMENTARE</p>
<p>Abilitazione scientifica</p>	<p>Abilitazione Scientifica Nazionale alle funzioni di professore universitario di Seconda Fascia nel Settore Concorsuale 07/E1 - Chimica Agraria, Genetica Agraria E Pedologia (25/01/2023-25/01/2033)</p>
<p>INDICI PUBBLICAZIONI (SCOPUS)</p>	<p>Numero totale di Pubblicazioni: 18 Numero totale di Citazioni: 397 <i>h</i>-index: 11</p>
<p>Premi</p>	<p>Premio SIGA "On Mendel's footsteps" - Francesco D'Amato - per la Genetica Agraria, per la migliore pubblicazione edita nel 2021 su rivista scientifica internazionale Nature Communications 12, 7240 (2021)</p>
	<p>Support Grant Plant Biology Europe 2018 – PBE2018 (2018)</p>
	<p>Premio Collio dedicato a "Sigismondo Douglas Attems di Petzenstein" - XIV edizione - per la miglior tesi di Dottorato di Ricerca (2017)</p>
<p>PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE</p>	<p>Di Gaspero G., Radovic S., De Luca E., Spadotto A., Magris G., Falginella L., Cattonaro F., Marroni F. (2022). Evaluation of sensitivity and specificity in RNA-Seq-based detection of grapevine viral pathogens. Journal of Virological Methods.</p>
	<p>Foria S, Magris G, Jurman I, Schwope R, De Candido M, De Luca E, Ivanišević D, Morgante M, Di Gaspero G (2022), Extent of wild-to-crop interspecific introgression in grapevine (<i>Vitis vinifera</i>) as a consequence of resistance breeding and implications for the crop species definition, Horticulture Research, Volume 9.</p>

Magris G., Marroni F., D'Agaro E. et al (2022). **ddRAD-seq reveals the genetic structure and detects signals of selection in Italian brown trout.** *Genet Sel Evol* 54, 8.

Magris G, Jurman I, Fornasiero A, Paparelli E, Schwope R, Marroni F, Di Gaspero G, Morgante M (2021), **The genomes of 204 *Vitis vinifera* accessions reveal the origin of European wine grapes.** *Nature Communications*, 12 (1).

Schwope R, Magris G, Miculan M, Paparelli E, Celii M, Tocci A, Marroni F, Fornasiero A, De Paoli E and Morgante M (2021), **Open chromatin in grapevine marks candidate CREs and with other chromatin features correlates with gene expression.** *Plant J*, 107: 1631-1647.

Chitarrini G, Riccadonna S, Zulini L, Vecchione A, Stefanini M, Larger S, Pindo M, Cestaro A, Franceschi P, Magris G, Foria S, Morgante M, Di Gaspero G, Vrhovse U (2020). **Two-omics data revealed commonalities and differences between Rpv12- and Rpv3-mediated resistance in grapevine.** *Scientific Reports* 10, 12193.

Zoccola R., Beltramo C., Magris G., Peletto S., Acutis P., Bozzetta E., Radovic S., Zappulla F., Porzio A.M., Gennero M.S., Dondo A., Pasqualini C., Griglio B., Ferrari A., Ru G., Gorla M. (2021). **First detection of an Italian human-to-cat outbreak of SARS-CoV-2 Alpha variant - lineage B.1.1.7.** *One Health*

Pinosio S, Marroni F, Zuccolo A, Vitulo N, Mariette S, Sonnante G, Aravanopoulos FA, Vidotto M, Magris G, Iezzoni A, Vendramin GG, Morgante M (2020). **A draft genome of sweet cherry (*Prunus avium* L.) reveals genome-wide and local effects of domestication.** *The Plant Journal* 103: 1420-1432.

Mariotti R, Fornasiero A, Mousavi S, Cultrera NGM, Brizioli F, Pandolfi S, Passeri V, Rossi M, Magris G, Scalabrin S, Scaglione D, Di Gaspero G, Saumitou-Laprade P, Vernet P, Alagna F, Morgante M, Baldoni L. (2020), **Genetic Mapping of the Incompatibility Locus in Olive and Development of a Linked Sequence-Tagged Site Marker.** *Frontiers in Plant Science* 10:1760.

Scalabrin S, Toniutti L, Di Gaspero G, Scaglione D, Magris G, Vidotto M, Pinosio S, Cattonaro F, Magni F, Jurman I, Cerutti M, Suggi Liverani F, Luciano N, Del Terra L, Pellegrino G, Ruosi M R, Vitulo N, Valle G, Pallavicini A, Graziosi G, Klein P E, Bentley N, Murray S, Solano W, Al Hakimi A, Schilling T, Montagnon C, Morgante M, Bertrand B (2020), **A single polyploidization event at the origin of the tetraploid genome of *Coffea arabica* is responsible for the extremely low genetic variation in wild and cultivated germplasm.** *Scientific Reports* 10, 4642.

Foria S, Copetti D, Eisenmann B, Magris G, Vidotto M, Scalabrin S, Testolin R, Cipriani G, Wiedemann-Merdinoglu S, Bogs J, Di Gaspero G and Morgante M (2020), **Gene duplication and transposition of mobile elements drive evolution of the Rpv3 resistance locus in grapevine.** *The Plant Journal* 101: 529-542.

Magris G, Di Gaspero G, Marroni F, Zenoni S, Tornielli GB, Celii M, De Paoli E, Pezzotti M, Conte F, Paci P and Morgante M (2019), **Genetic, epigenetic and genomic effects on variation of gene expression among grape varieties.** *The Plant Journal* 99: 895-909.

Scaglione D, Pinosio S, Marroni F, Di Centa E, Fornasiero A, Magris G, Scalabrin S, Cattonaro F, Taylor G, Morgante M (2019), **Single primer enrichment technology as a tool for massive genotyping: a benchmark on black poplar and maize.** *Annals of Botany* 24 (4): 543–551.

Foria S, Magris G, Copetti D, Coleman C, Morgante M and Di Gaspero G (2018). **InDel markers for monitoring the introgression of downy mildew resistance from wild relatives into grape varieties.** *Molecular Breeding*.

Dal Santo S, Zenoni S, Sandri M, De Lorenzis G, Magris G, De Paoli E, Di Gaspero G, Del Fabbro C, Morgante M, Brancadoro L, Grossi D, Fasoli M, Zuccolotto P, Tornielli GB and Pezzotti M (2018). **Grapevine field experiments reveal the contribution of genotype, the influence of environment and the effect of their interaction (GxE) on berry transcriptome.** *The Plant Journal* 93: 1143-1159.

Foria S, Magris G, Morgante M and Di Gaspero G (2018). **The genetic background modulates the intensity of Rpv3-dependent downy mildew resistance in grapevine.** *Plant Breeding* 137: 220– 228.

Dell'Acqua M, Gatti DM, Pea G, Cattonaro F, Coppens F, Magris G, Hlaing AL, Aung HH, Nelissen H, Baute J, Frascaroli E, Churchill GA, Inzé D, Morgante M and Pè ME (2015).

Genetic properties of the MAGIC maize population: a new platform for high definition QTL mapping in *Zea mays*. *Genome Biology*, 16 (1), 167.

Miculan M, Magris G, Jurman I, Zamboni V, Foria S, Cattonaro F, Morgante M, Di Gaspero G (2015). **Sequenziamento del genoma di varietà a diffusione locale.** Capitolo 8 – Risorse genetiche locali in Viticoltura sostenibile e valorizzazione delle risorse territoriali nella filiera vitivinicola (Viticulture and sustainable development of local resources in the wine industry). Report of VISO project.

Di Gaspero G, Magris G, Miculan M, Scalabrin S, Marroni F, Testolin R, Cattonaro F, Morgante M (2015). **DNA sequencing and genetic diversity of 51 grapevine varieties.** Italian wine grape varieties – Their Viticultural Characterization. Edited by Luigi Bavaresco and Massimo Gardiman (Gianni Sartori Editore).

Martini M, Ermacora P, Magris G, Ferrini F and Loi N (2011). **Symptom expression and 'Candidatus Phytoplasma prunorum' concentration in different *Prunus* species.** *Bulletin of Insectology*, 64 (Supplement): S171-S172.

Conferenze

Settembre 2022: Magris G – “The genomes of 204 *Vitis vinifera* accessions reveal the origin of European wine grapes” (LXV SIGA Congresso Annuale – On Mendel's footsteps – From genes to fork, Piacenza)

Settembre 2021: Magris G – “The Genomes of 204 domesticated and wild *Vitis vinifera* accessions reveal the history and the genetic ancestry of European wine grapes” (LXIV SIGA Congresso Annuale – Plant genetic innovation for food security in a climate change scenario, Online)

Ottobre 2018: Magris G – “Next Generation Sequencing. Past – present – future.” (Istituto di Genomica Applicata, Udine - Studenti dell'Università di Ljubljana)

Ottobre 2018: Magris G – “Characterisation of the the pan-genome of *Vitis vinifera* using Next Generation Sequencing” (Plant Genome in a Changing Environment 2018, Wellcome Genome Campus, Hinxton (Cambridge) - UK)

Giugno 2018: Magris G – “Use of NGS technologies for the identification of Single Nucleotide Polymorphisms and Structural Variants” (corso ECM IGA - “Next Generation Diagnostics: la diagnostica ai tempi del sequenziamento di nuova generazione”)

Giugno 2018: Magris G – “Characterisation of the the pan-genome of *Vitis vinifera* using Next Generation Sequencing” (Plant Biology Europe 2018 – PBE2018, Copenhagen – Denmark)

Maggio 2018: Magris G – “Gli elementi trasponibili: sono veramente DNA spazzatura?” (Istituto Statale di Istruzione Superiore “Vincenzo Manzini” – San Daniele (UD))

Aprile 2018: Magris G – “Integration site selection by retroviruses and transposable elements in eukaryotes” (Istituto di Genomica Applicata, Udine)

Maggio 2017: Magris G – “Trasposoni e unità genetiche mobili all'interno del DNA” (Istituto Statale di Istruzione Superiore “Vincenzo Manzini” – San Daniele (UD))

Marzo 2017: Magris G – “**Ricostruzioni filogenetiche:** analisi del DNA per ricostruire le parentele dei vitigni storici” (Auditorium Istituto Tecnico Agrario – Spilimbergo (UD))

Gennaio 2014: “Characterisation of the pan-genome of *Zea mays* and *Vitis vinifera* using Next Generation Sequencing” (Students' Workshop on Research activities of ICGEB, SISSA, UniTS and UniUD)